

Februar 2008

1. Kaj je PAM matrika, zakaj jo uporabljamo in kaj pomeni PAM120?
2. nariši distančno matriko za heliks-turn-heliks, kjer heliksa tvorita obvito vijačnico.
3. naštej vsaj 4 signale na DNA, ki uravnavajo prevajanje. Kako jih iščemo v bioinformatiki.
4. kako statistično ocenimo pomembnost prileganja.
5. kako povprečna aminokislinska sestava vpliva na zamenjave nukleotidov v kodonu. Katero mesto je najbolj občutljivo?
6. naštej nabite aminokisliline.
7. metoda jackknife
8. zakaj lahko FASTA zgreši nekatere zadetke in kaj je princip iskanja s FASTA in BLAST.