

IZPIT IZ BIOKEMIJSKE INFORMATIKE (1.3.2004 popoldne)

- 1) Kolikšna je maksimalna in minimalna degeneriranost nukleotidnega zaporedja, ki kodira heksapeptid?
- 2) Podaj primerj ortologa in homologa (tukaj ne vem, če ni mogoče mislil paraloga, AJ) za hemoglobin pri človeku.
- 3) Kako prepoznavamo eksone pri eukariontih?
- 4) Naštej dva načina za prileganje več zaporedij? (tukaj ne ne vem ali je mislil eno zaporedje z večimi ali več zaoredij med sabo, AJ)
- 5) Nariši distnačno matriko za protein na slik. (imamo protein z sekundarno strukturo:
 $\beta_{(\text{antiparalelna})}-\alpha-\alpha-\alpha=$
- 6) Kaj je hidrofobni moment? Zakaj ga uporabljamo?