

Kolokvij 4.2.2008

1. Nekaj teoretičnih vprašanj, algoritem Needleman – Wunsch, itd.
2. Poišči članek za podane podatke, ali govori o proteinu ali o peptidu, pod kakšno oznako je protein ali peptid v Swiss protu?
3. Imaš neko zaporedje, v bazi nukleotidnih zaporedij moraš poiskati najbolj podoben bikov protein (Bos Taurus). Kateri tip programa si uporabil? Poiskati moraš koliko proteinov v primerjavi z danim zaporedjem ima določeno 3D strukturo, kateri tip programa si uporabil. Narisano imaš drevo, na eni strani imaš proteine A_človek, A_bik, A_opica, na drugi strani pa A_človek, B_človek, C_človek. Komentiraj drevo.
4. Excel: Podana imaš zaporedja, za vsako zaporedje moraš izračunati T_m iz podane formule.
5. Imaš pdb molekulo, določen del moraš pobarvati z rdečo, drugi z modro, tretji z zeleno. Izmeriti moraš razdaljo med dvema določenima AK.