

Biokemijska informatika- kolokvij iz vaj

1. Obkroži ali drži ali ne drži (5 vprašanj vse skupaj)

- blastn je za določevanje aminokislinskega zaporedja v bazi -----
- Web science je baza ki nam poleg zaporedja protein, poda podatke o avtorjih in njihovi citiranosti

2. Dano je zaporedje AK pri človeku, določi mu:

a)

- koliko AK vsebuje (npr. 660)
- s čim se najdaljša kodirajoča regija začne in konča (kodona)
- koliko mest za Aqul ima ta protein znotraj kodirajoče regije
- koliko mest ima za glikolizacijo

b)

- določi kaj ta protein je
- ali ima propeptid
- koliko AK vsebuje isti protein pri *Rattus norvicus*

3. Poišči članek, če veš avtorja, leto in revijo, ki je članek izdala, in ključno besedo (nek peptid)

Ali članek govori o proteinu ali peptidu _____

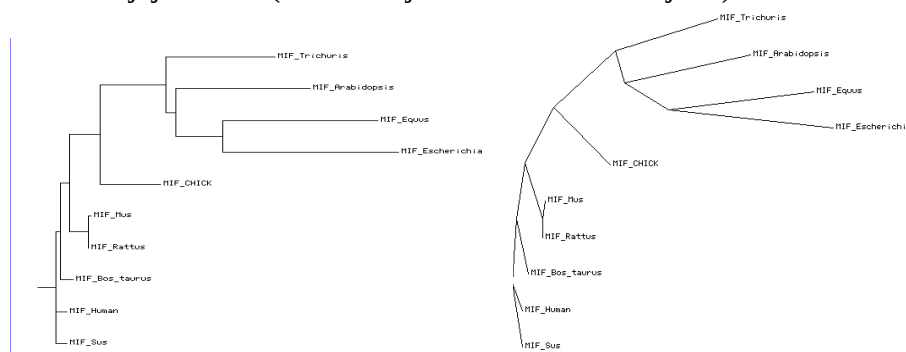
Katere bolezni so povezane s tem proteinom ali peptidom _____

Kolikokrat je bil zadnji avtor tega članka citiran _____

4. Izračunaj eks. koeficient (kot v vaji excela) imaš dano neko aminokislinsko zaporedje, 3 AK k določenimi koeficienti, poiščeš v zaporedju in sešteješ- pri nas je bila samo ena AK ki je ustrezala kriterijem in zaradi tega nisi sešteval.

5. Proteinu iz članka v TMHMM in v Swissprotu poišči podatke o transmembranskih regijah in jih primerjaj (npr en jih ima 11 drugi 12)

6. Primerjaj drevesi (zakoreninjeno in ne zakoreninjeno)



7. pdb 3d protein (že določenega odpreš in odgovoriš)

- koliko alfa-vijačnic vsebuje _____
- ali je protein čist ali ne _____