



Praktične vaje pri predmetu
Biokemijska informatika

Študijsko leto 2013/2014

Miha Pavšič
marec 2014

Skupine in termini

skupina	termin	asistent
1.	torek, 13:00-16:00	Miha Pavšič
2.	torek, 16:00-19:00	Miha Pavšič
3.	petek, 13:00-19:00	Aljaž Gaber

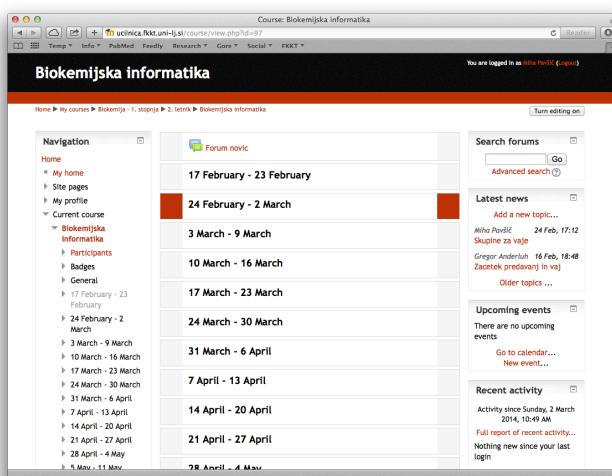
Miha: miha.pavsic@fkkt.uni-lj.si

Aljaž: aljaz.gaber@fkkt.uni-lj.si

- vaje potekajo v **računalniški učilnici**
- vaje so **obvezne**
- opravljenе vaje so **pogoj za pristop h kolokviju**
- kolokvij bo **praktične narave** (računalniška učilnica)
- **3 roki** za kolokvij (termini po dogovoru s študenti)

Spletna učilnica UL FKKT (<http://ucilnica.fkkt.uni-lj.si>)

- Biokemija – 1. stopnja > 2. letnik > Biokemijska informatika
- opravljanje vaj je možno zgolj preko spletne učilnice
- vaje in z njimi povezan material bo sproti objavljen
- kategorija "Splošno" (General) – splošno uporabne povezave, ...
- neobvezne domače naloge (+ diskusija na vajah)
- material dostopen tudi od doma (ponovitev vaje, učenje, ...)



Obravnavane teme

vaja	datum*	teme
1.	4. 3.	pisanje besedil, bibliografske baze, citiranje
2.	11. 3.	podatkovne tabele, urejanje in obdelava podatkov, diagrami
3.	18. 3.	prileganje krivulj na podatke, statistična obravnavna podatkov
4.	25. 3.	baze nukleotidnih zaporedij, analiza nukleotidnih zaporedij
5.	1. 4.	analiza nukleotidnih zaporedij in molekulsko kloniranje
6.	8. 4.	baze aminokislinskih zaporedij, analiza aminokislinskih zaporedij
7.	15. 4.	prileganje zaporedij
8.	22. 4.	iskanje podobnih zaporedij
prvomajski prazniki		
9.	6. 5.	prileganje zaporedij, filogenija
10.	13. 5.	3D struktura: podatkovne baze, vizualizacija in priprava slik
11.	20. 5.	3D struktura: analiza struktur, modeliranje
12.	27. 5.	projektno delo (sinteza znanja na praktičnem primeru)

(*) Datum vaje je zapisan kot datum torka v posameznem tednu.

Vaje v letosnjem študijskem letu oblikujemo na novo; tekom semestra se lahko seznam tem nekoliko spremeni.

Kaj naj bi po opravljenih vajah znali...

Splošna znanja

- iskanje literature po bibliografskih bazah
- oblikovanje seminarske/diplomske/... naloge in citiranje
- urejanje in analiza podatkov v tabelah

Specifična znanja

- iskanje podatkov o makromolekulah in bioloških procesih po različnih bazah
- analiza najdenih/literaturnih in eksperimentalnih podatkov (lokalno, spletna orodja)
 - nukleotidna zaporedja
genom, geni in genske regije, bralni okvir, genski kod in prevajanje zaporedij, eksoni in introni, cDNA, načrtovanje začetnih oligonukleotidov za PCR, restrikcijski encimi, osnove *in silico* molekulskega kloniranja, podobna zaporedja, ...
 - aminokislinska zaporedja
iskanje motivov (glikozilacija, ...), usmerjevalnih zaporedij, transmembranske regije, podobna zaporedja, podobna zaporedja in filogenija, ...
 - strukturni podatki
metode, baze in formati podatkov, programi za vizualizacijo in analizo struktur, modeliranje struktur, umeščanje, ...
- sinteza rezultatov analiz

Praktične vaje pri predmetu
Biokemijska informatika

1. vaja

Pisanje besedil, bibliografske baze in citiranje



Pregled vaje

Pisanje / oblikovanje besedil

- oblikovanje naslovov/podnaslovov, ...
- razčlenba dokumenta na dele
- številčenje strani in kazalo
- glava in noga strani
- slike

Bibliografske baze

- primarne in sekundarne bibliografske baza
- iskanje po bibliografskih bazah
- SCI (Science Citation Index)

Citiranje

- programi za delo z referencami oz. "osebnimi" bibliografskimi bazami
- uporaba programa Mendeley za vstavljanje referenc in oblikovanje bibliografije

Urejevalniki besedil

- **lokalno nainstalirani:**
 - Microsoft Word, Write (LibreOffice, OpenOffice), Apple Pages, ...
 - nudijo več možnosti za oblikovanje kot tisti v oblaku
 - številni vtičniki
 - lažja priprava večjih dokumentov
 - deljenje možno preko oblaka ali drugih rešitev (Dropbox)
 - včasih lahko težave pri prenosu med programi pod različnimi OS
- **v oblaku:**
 - Microsoft Office 365, Google Docs, Apple iWork, ...
 - enostavna uporabe
 - ni potrebna instalacija
 - ponavadi neodvisni od operacijskega sistema; program teče na strežniku, z njim interagiramo preko brskalnika
 - dostopnost do dokumentov z različnih lokacij brez prenašanja pomnilniških medijev
 - enostavna dostopnost tudi z drugih naprav (tablice, telefoni)
 - enostavno deljenje / skupna raba in soustvarjanje dokumentov neposredno iz programa

Praktični del: OBLIKOVANJE BESEDILA

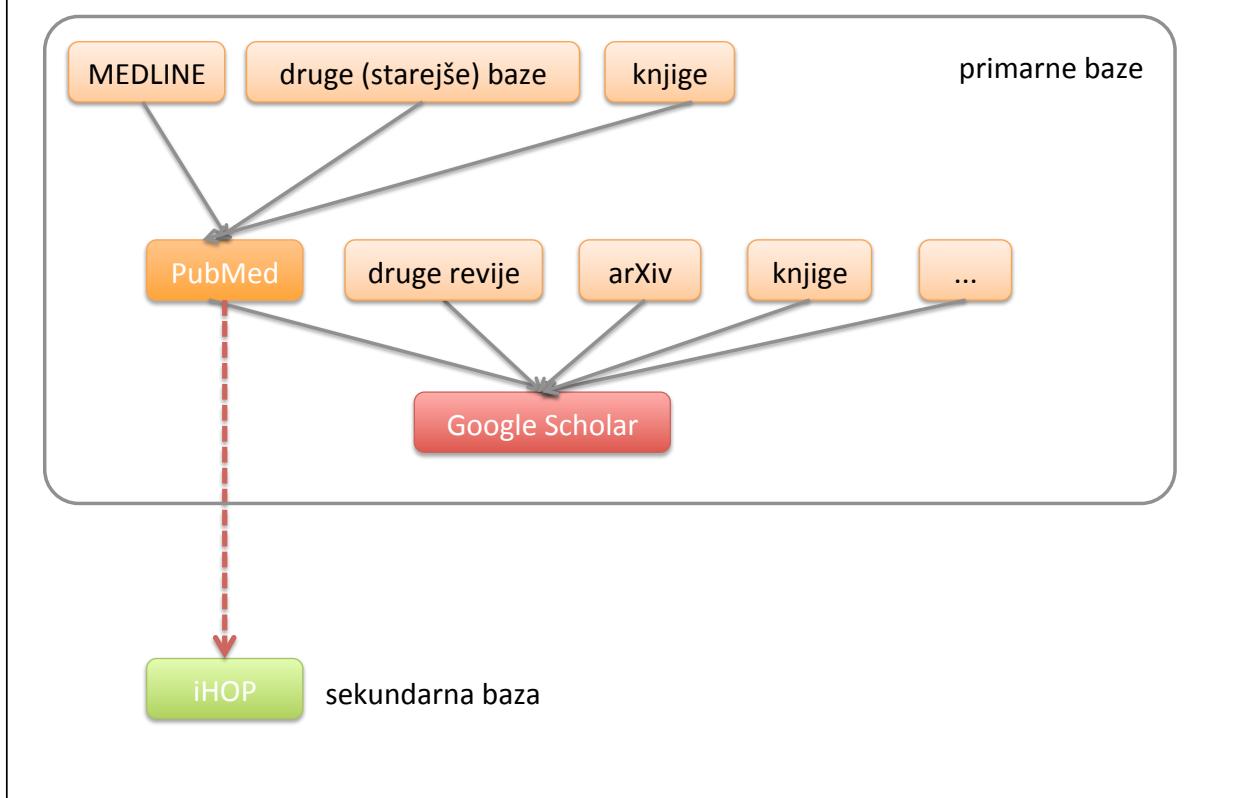
Potek dela

1. S spletnne učilnice prenesite datoteko “**01 – Oblikovanje besedila in reference.docx**”.
2. Datoteko odprite s programom Microsoft Word in si oglejte besedilo. Besedilo še ni oblikovano!
3. Navodila za delo vsebuje datoteka sama.
4. Po končnanem oblikovanju shranite spremenjeno datoteko pod istim imenom, saj jo boste potrebovali pri nadaljevanju vaje.
5. Primer oblikovane datoteke je v “**01 – Oblikovanje besedila in reference - PRIMER.docx**”.

Bibliografske baze podatkov

- so digitalne zbirke referenc iz **objavljeni literature** (članki, knjige, prispevki na konferencah, poročila, patenti, ...)
- lahko so **splošne** ali pa pokrivajo **določeno znanstveno disciplino**
 - Google Scholar – splošen iskalnik
 - PubMed – biomedicinska literatura
 - arXiv – matematika, fizika, astronomija, računalništvo, ...
 - IEEE in ACM – tehnika, elektronika, računalništvo, ...
 - ...
- lahko so **prosto dostopne** (npr. PubMed) ali **plačljive** (npr. Web of Science, Scopus)
- vnosi so lahko razdeljeni po **kategorijah**, kar pa je zelo kompleksno – namesto tega se uporabljajo **ključne besede** (“keywords”)
- nekatere podatkovne baze nudijo **orodja za analizo vnosov** (geografski podatki, citiranost, frekvenca objav, ...)
- baze so lahko:
 - **primarne** – vsebujejo posamezne bibliografske enote”, ki so vnešene direktno v posamezno bazo ali v povezane baze; npr. PubMed/MEDLINE, arXiv, ...
 - **sekundarne** – (avtomatsko so) pripravljene so na osnovi primarnih baz; primer je iHOP

Primarne in sekundarne bibliografske baze - primer

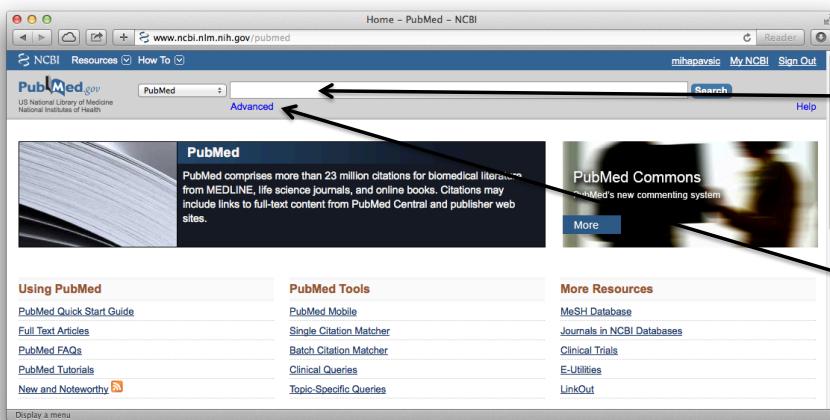


PubMed

<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/pubmed>



- **prosto dostopna** bibliografska baza literature iz **biomedicine** in drugih naravoslovnih znanosti
- vzdržuje jo National Library of Medicine v ZDA (US NLM) v okviru NIH (National Institutes of Health)
- omogoča iskanje po bazi MEDLINE in nekaterih drugih bazah
- vsebuje članke iz pribl. 5 600 revij v 39 jezikih (91% v angleščini)
- vsak dan novih 2 000 – 4 000 vnosov



osnovno iskanje
(vnešena gesla niso kategorizirana)

napredno iskanje
(vnešena gesla
(avtor, leto, ...) kategoriziramo s pomočjo **Builder-ja**)

PubMed

- primer vnosa v bazo

revija, leto
objave, letnik
(in številka),
strani

naslov

avtor(ji)

povzetek

PMID
(unikatna
številka,
PubMed ID)

(slike)

Macromolecular complexes... [Acta Crystallogr D Biol Crystallogr. 2011] – PubMed – NCBI

Macromolecular complexes in crystals and solutions.
Krisnini E.

Abstract
This paper presents a discussion of existing methods for the analysis of macromolecular interactions and complexes in crystal packing. Typical situations and conditions where wrong answers may be obtained in the course of ordinary procedures are presented and discussed. The more general question of what the relationship is between natural (in-solvent) and crystallized assemblies is discussed and researched. A computational analysis suggests that weak interactions with $K(d) \geq 100 \mu\text{M}$ have considerable chance of being lost during the course of crystallization. In such instances, crystal packing misrepresents macromolecular complexes and interactions. For as many as 20% of protein dimers in the PDB the likelihood of misrepresentation is estimated to be higher than 50%. Given that weak macromolecular interactions play an important role in many biochemical processes, these results suggest that a complementary noncrystallographic study should be always conducted when inferring structural aspects of weakly bound complexes.

PMID: 21460456 [PubMed - Indexed for MEDLINE] PMID: PMC3069753 Free PMC Article

Publication Types, MeSH Terms, Substances, Grant Support

LinkOut - more resources

povezave do članka v celoti

- PubMed Central (prost dostop)
- zunanje povezave

sorodni članki
članki v
PMC, ki ta
članek
citirajo

PubMed – My NCBI

- lahko si ustvarimo **brezplačen uporabniški račun**
- omogoča shranjevanje zadetkov, shranjevanje iskanj, **avtomatsko periodično iskanje po bazi** (novi vnesi v bazo po e-pošti), prilagoditve filtrov, ...

osebne
bibliografijepretekla
iskanja
(zgodovina)

Search Name	What's New	Last Searched
PubMed Searches		
Testican	0	today
GA733	0	today
EpCAM	0	today
Trop2	0	today

Collection Name	Items	Settings/Sharing	Type
Favorites	0	Private	Standard
My Bibliography	0	Private	Standard
Other Citations	0	Private	Standard

shranjena iskanja
(avtomatsko
periodično
ponavljanje)

zbirke referenc

filtri

PubMed – MeSH (<http://www.ncbi.nlm.nih.gov/mesh>)

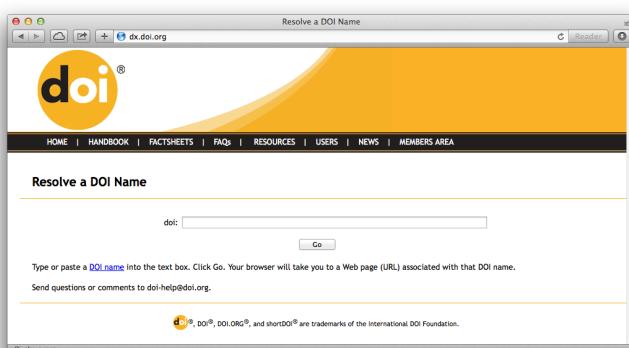
- Medical Subject Headings
- urejen besednjak, ki se uporablja za indeksiranje člankov v PubMed (ni nujno, da so vsi novejši članki že indeksirani) – previdno pri uporabi!
- omogoča gradnjo **popolnejših** in **učinkovitejših** iskanj
- primer: želimo poiskati članke, ki opisujejo povezavo med preobčutljivostjo na jajca (*egg allergy*) in negativnimi stranskimi učinki cepiv proti gripi (*flu vaccine*) → MeSH pojma združimo z logičnim operatorjem AND in izvedemo iskanje

The screenshot shows the PubMed Search Builder interface. In the search field, the query is entered as: ("Influenza Vaccines/adverse effects" [Mesh]) AND "Egg Hypersensitivity" [Mesh]. Below the search field are three buttons: 'Add to search builder', 'AND', and 'Search PubMed'.

Influenza Vaccines in Egg
Hypersensitivity sta osnovna pojma (naslova), adverse effects pa je podpojem (podnaslov), s katerim natančneje omejimo rezultate

DOI (Digital Object Identifier)

- koda, ki **unikatno** opiše nek digitalen objekt, npr. znanstveni članek
- primer: 10.1038/nano.2014.13
- v povezavi s kodo DOI so shranjeni različni **metapodatki** (npr. lokacija – URL)
- **koda DOI je trajna**, metapodatki pa se lahko spremenijo
- praktičnost: koda DOI nekega članka ostane enaka, založniška hiša pa lahko naslov dokumenta PDF spremeni → članek še zmeraj najdemo
- sistem koordinira International DOI Foundation
- kodo DOI določenega članka lahko najdemo na PubMed (ne pri vseh člankih), na strani izdajatelja revije, ...
- več: http://en.wikipedia.org/wiki/Digital_object_identifier



Naslov, povezav s kodo DOI, lahko najdemo preko <http://dx.doi.org> (ali pa v iskalnik vpišemo doi *koda_doi*).

Web of Science (<http://webofknowledge.com/wos>) WEB OF SCIENCE™

- plačljiv servis (dostop mogoč npr. iz omrežja Univerze v Ljubljani)
- omogoča iskanje referenc/člankov ter člankov, kjer so le-ti citirani
- v okviru Web of Science je baza **Science Citation Index (SCI)**
- **ISI Web of Knowledge** indeksira številne znanstvene revije → indeks vpliva (*impact factor, IF*); to področje imenujemo bibliometrika; dostopen tudi preko COBISS

**faktor vpliva za neko
revijo za leto 2012** =

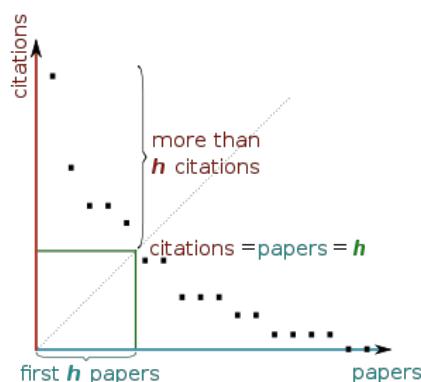
kolikokrat so bili članki, objavljeni v tej reviji v letih 2010 in 2011, citirani v drugih indeksiranih revijah v člankih v letu 2012

število vseh člankov in drugih objav, ki se jih lahko citira, objavljenih v tej reviji v letih 2010 in 2011

- primerjava revij znotraj enega področja (v nasprotnem primeru izkrivljeno!)
- uporaba faktorja vpliva je nekoliko kontroverzna; več lahko preberete tukaj:
http://en.wikipedia.org/wiki/Impact_factor oz.
http://sl.wikipedia.org/wiki/Faktor_vpliva

h-indeks (Hirschev indeks)

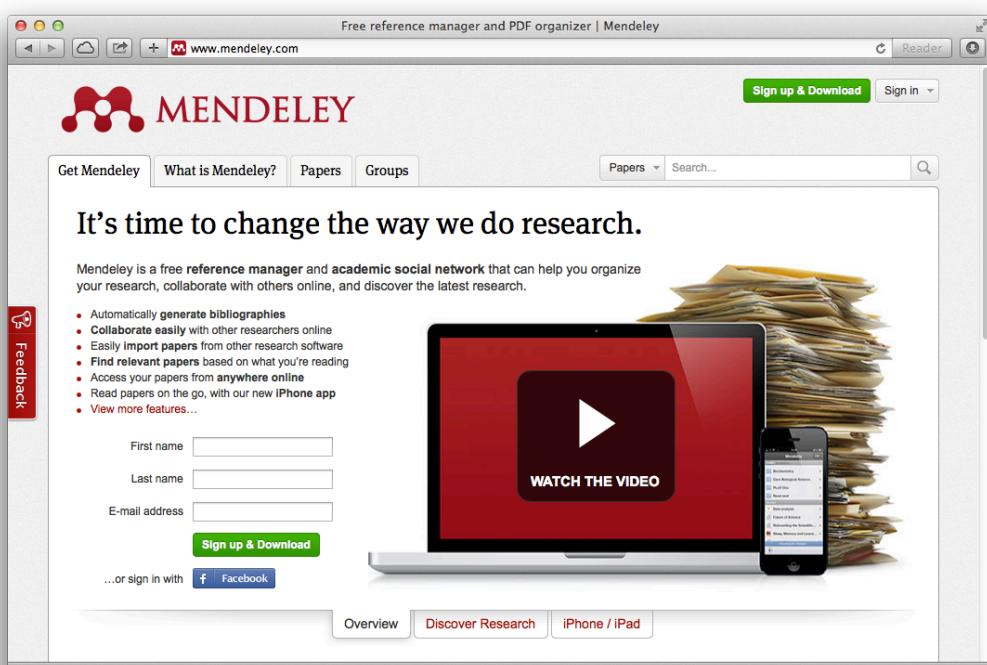
- meri produktivnost in vpliv posameznega znanstvenika, skupine, revije, ...
- temelji na najbolj citiranih člankih in številu citatov, ki so jih le-ti prejeli v drugih publikacijah
- več: <http://en.wikipedia.org/wiki/H-index>
- pomen vrednosti: znanstvenik z osebnim h-indeksom X je objavil X člankov, od katerih je vsak bil najmanj X-krat citiran
- osebni h-indeks je povezan s starostjo (narašča ali ostane enak)



Programi za delo z referencami (*Reference managers*)

- ko najdemo zanimive članke, ki jih bomo morda celo citirali v naših delih (diplomska dela, seminarske naloge, članki, ...), jih shranimo v **osebno bibliografsko bazo**
- osebno bibliografsko bazo njenostavneje gradimo s pomočjo **posebnih programov**
- razvrščanje referenc po kategorijah, zabeležke, shranjevanje člankov v celoti (PDF), ločena polja (avtorji, revija, leto, letnik, številka, strani, ...)
- enostavno **vstavljanje** referenc v nastajajoče besedilo (poljuben vrstni red vstavljanja) in oblikovanje končne **bibliografije** (seznama citiranih del)
- enostavno **preoblikovanje** vstavljenih referenc in bibliografije (različne revije imajo različne zahteve)
- http://en.wikipedia.org/wiki/Comparison_of_reference_management_software
- **programi** so nainstalirani lokalno, **baza podatkov** pa je bodisi lokalna ali v oblaku

Mendeley (<http://www.mendeley.com>)

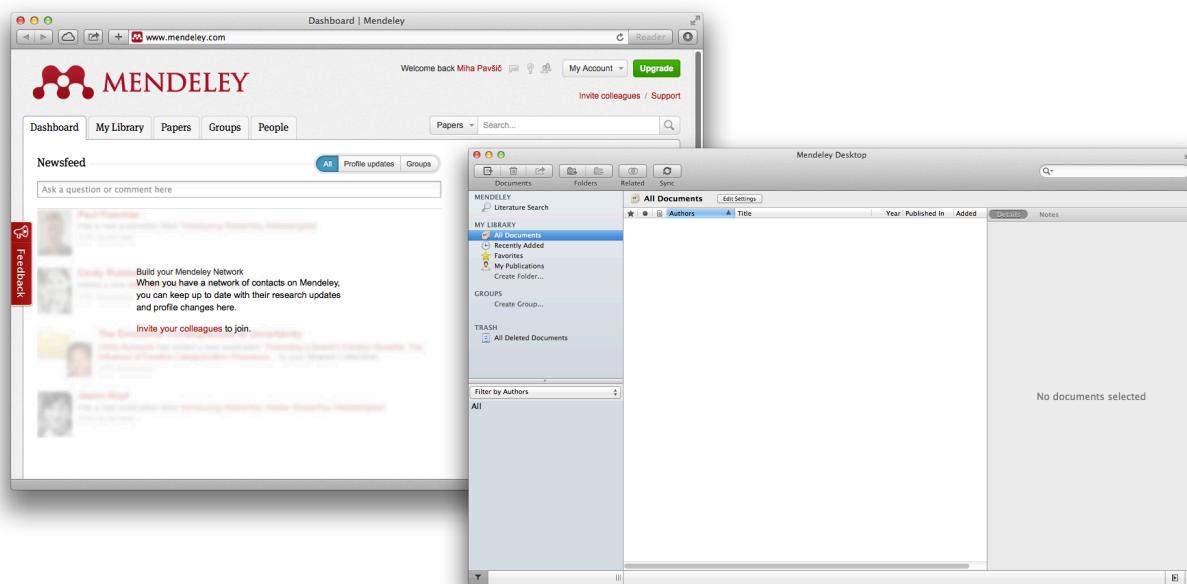


Mendeley (<http://www.mendeley.com>)

- **lokalno** nainstaliran (Windows, OS X, Linux, iOS)
- naša osebna bibliografska baza je **v oblaku** (2 GB brezplačno)
- do bibliografske baze lahko dostopamo tudi preko brskalnika (**Dashboard**)
- vnos v bazo preko lokalnega programa: Mendeley baza ali *import* datoteke (npr. **bib**) ali preko brskalnika (*Mendeley Dashboard* ali preko vtičnika za brskalnik)
- **vstavljanje referenc** v Word, Writer (OpenOffice/LibreOffice) in oblikovanje končne **bibliografije**
- **shranjevanje datotek PDF**, zabeležke & “markiranje” besedila
- **deljenje referenc in beležk** (omejitve glede št. uporabnikov pri brezplačnem računu)
- iskanje po bazi
- vse značilnosti: <http://www.mendeley.com/features/>
- navodila in (video)-tečaji: <http://resources.mendeley.com>

Praktični del: MENDELEY

1. Ustvarite brezplačni uporabniški račun (potrebujete e-poštni naslov).
2. “Instalirajte vtičnik” za brskalnik.
3. Aplikacija je že nainstalirana lokalno – zaženite jo in se vpišite z vašim računom.



Praktični del: MENDELEY

- V Word-u ponovno odprite datoteko (s prej oblikovanim besedilom) “01 – Oblikovanje besedila in reference.docx”.
- Vstavite primerne reference v zadnji odstavek, ki vsebuje strokovno besedilo.
 - V PubMed poiščite za vsako poved eno (ali več, kakor je pač smiselno) referenc v PubMed.
 - Uporabite napredni način iskanja, ...
 - Uporabljenе reference združite v enotno skupino v Mendeley (z imenom npr. “Biokemininfo”).
 - Na konec besedila dodajte bibliografijo oz. jo oblikujte tako, da bo v skladu s standardi revije:
 - Nature
 - Science
 - PNAS (Proceedings of the National Academy of Sciences)
 - ...
- Oglejte si, kaj se zgodi, če novo referenco vstavimo med/pred že vstavljenе reference. Na koncu pripravite datoteko brez “Mendeley Fields”.
- Primer oblikovane datoteke je v “01 – Oblikovanje besedila in reference - PRIMER.docx”.

iHOP (<http://www.ihop-net.org>)

- primer **sekundarne** baze oz. iskalnika (posto dostopen)
- uporaba imen genov in proteinov kot povezave** med povedmi in povzetki člankov → **navigacija** s povezavami na članke (povzetke) na PubMed
- dobro: enostavnost, hitrost, preglednost
- slabo: nerepresentativnost, nepopolnost
- pomoč/navodila: <http://www.ihop-net.org/UniPub/iHOP/help.html>

